

ベイズで、2値変量の間条件付き確率を推定する

鈴木 讓

大阪大学大学院基礎工学研究科

まず、長さ n の $X = 0, 1$ の各2進系列 x^n に対して、 a を正の定数、 c を1の頻度、 $w(\theta) = K\theta^{a-1}(1-\theta)^{a-1}$ (K : 定数) として、 $Q(x^n) := \int_0^1 \theta^c (1-\theta)^{n-c} w(\theta) d\theta$ の値を割り当てる。この値は、 $Q(x^n) \geq 0$ および $\sum_{x^n} Q(x^n) = 1$ を満足していて、系列の確率のような解釈ができる。次に、別の長さ n の各2進系列 y^n について、 $Y = 0, 1$ のもとでの $X = 0, 1$ の条件付き確率に相当する何らかの $Q(x^n|y^n)$ を計算して、 $Q(x^n)$ と $Q(x^n|y^n)$ の大小を比較して、独立性を検定することを検討する。

この場合、 $Q(x^n) := \prod_{i=1}^n \frac{c_{i-1}(x_i) + a}{i - 1 + 2a}$ および $Q(x^n|y^n) := \prod_{i:y_i=0} \frac{c_{i-1}(x_i, y_i) + b}{c_{i-1}(y_i) + 2b} \cdot \prod_{i:y_i=1} \frac{c_{i-1}(x_i, y_i) + b}{c_{i-1}(y_i) + 2b}$ で

計算する方法と、 $Q(x^n, y^n) := \prod_{i=1}^n \frac{c_{i-1}(x_i, y_i) + a}{c_{i-1}(y_i) + 4a}$ および $Q(x^n|y^n) := \frac{Q(x^n, y^n)}{Q(y^n)}$ で計算する方法がある。

ただし、 $c_{i-1}(x_i)$ で (x_1, \dots, x_{i-1}) における x_i の頻度、 $c_{i-1}(x_i, y_i)$ で $(x_1, \dots, x_{i-1}, y_1, \dots, y_{i-1})$ における (x_i, y_i) の頻度とした。以下では、上記の $Q(x^n)$ および $Q(x^n, y^n)$ をそれぞれ、 $f(x^n, a)$ および $g(x^n, y^n, a)$ とかくものとする。ここで、前者の場合、 $Q(x^n|y^n)Q(y^n) = Q(y^n|x^n)Q(x^n)$ とするためには、 $a = 2b$ が必要になり、 $Q(x^n|y^n)Q(y^n) = g(x^n, y^n, a/2)$ となる (Bayesian Dirichlet equivalent uniform [2], BDeu)。また、後者 (Quotient Jeffreys', QJ) の場合、 $a = 1/2$ (Jeffreys の事前確率) をおくことが多い。したがって、独立性検定は、独立である事前確率を $1/2$ とすれば、それぞれ、 $f(x^n, a)f(y^n, a) \geq g(x^n, y^n, a/2)$ および $f(x^n, 1/2)f(y^n, 1/2) \geq g(x^n, y^n, 1/2)$ であるときに、独立であるとみなすことになる。2値でなく多値でも、2変数でなく多変数でも、独立性だけでなくベイジアンネットワークの構造学習などの条件付き独立性の検定にも適用される [1])。

本論文では、BDeu と QJ の性能の比較を行い、後者の卓越性に関して2種類の命題を証明する。まず、 $x_i = h(y_i)$, $i = 1, \dots, n$ なる関数 $h: \{0, 1\} \rightarrow \{0, 1\}$ が存在するとき、確率変数 Z に関する系列 z^n が利用可能であっても、 X の Y に関する経験的条件付エントロピーが0であれば、パラメータ数のより少ないモデルが選択されるべきであろう [3]。本論文では、QJ では、 X が Y のみに依存するモデルを選択するが、BDeu では、 X が Y, Z の両方に依存するモデルを選択する (定理 1) ことを証明した。

また、真のパラメータ (確率、条件付き確率の値) を固定して、 n を大きくすると、両者とも誤り率が0になる、すなわち一致性を満足する。しかし、BDeu では n をいくら大きくしても、誤り率が一定以上のパラメータの組が存在し (pointwise な一致性)、QJ では各 n で最も誤り率の高いパラメータの誤り率が、0 に収束する (uniform な一致性)。そのような証明を行った (定理 2)。

参考文献

- [1] J. Suzuki. "A novel Chow-Liu algorithm and its application to gene differential analysis". *International Journal of Approximate Reasoning*, 2017.
- [2] W. Buntine. Theory refinement on Bayesian networks. In *Uncertainty in Artificial Intelligence*, pages 52–60, Los Angeles, CA, 1991.
- [3] J. Suzuki and J. Kawahara. "Branch and Bound for Regular Bayesian network structure learning". *Uncertainty in Artificial Intelligence*, Sydney, Australia, August, 2017.